



O TESTE DE DNA
CHEGOU!

**DESCUBRA
TUDO SOBRE
SEU DOG**





TESTE DE DOENÇAS E TRAÇOS GENÉTICOS

**BORDER
COLLIE**



NÚMERO DO TESTE: BOX01207

PET: RICK GERES

DATA DE NASCIMENTO: 18/11/2017

ESPÉCIE: CANINO

RAÇA: BORDER COLLIE

TUTOR: GEORGE SILVA ALVES

SEXO: MACHO

NÚMERO CHIP:

NÚMERO REGISTRO: SPQ1704500

DATA DO RELATÓRIO: 20/12/2021

O DNA do Rick Geres foi testado para **13** doenças genéticas. Veja os resultados abaixo.



Veja quais foram as doenças genéticas avaliadas:

STATUS

DOENÇA



Surdez do Border Collie de Início na Fase Adulta



Má Absorção de Cobalamina - Deficiência de Cubilina (Border Collie)



Anomalia do Olho do Collie - Hipoplasia Coroidal



Cistinúria (Australian Cattle Dog)



Mielopatia Degenerativa



Goniodisgenesia e Glaucoma (Border Collie)

STATUS

DOENÇA



Gene de Resistência a Múltiplas Drogas



Miotonia Hereditária



Doença de von Willebrand Tipo II



Lipofuscinoses Ceroide Neuronal 5 (Border Collie)



Luxação Primária de Lente



Síndrome de Raine ou Hipomineralização dentária



Síndrome de Neutrófilos Presos

RESULTADO DO TESTE DE DNA - DOENÇAS

ANOMALIDADE DO OLHO DO COLLIE - HIPOPLASIA COROIDAL

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: Non-homologous end joining factor 1 (NHEJ1) no cromossomo 37

Variante: Deleção de Nucleotídeo 7799 base pair deletion in Intron 4 of the NHEJ

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

MIELOPATIA DEGENERATIVA

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: SOD1 (superóxido dismutase) no cromossomo 31

Variante: Substituição de Base c.118G>A, p.Glu40Lys

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

SURDEZ DO BORDER COLLIE DE INÍCIO NA FASE ADULTA

Resultado: Portador (uma variante identificada) - Heterozigoto (+/-)

Gene: USP31

Variante: c.846+5T>

Verificamos o DNA do Pet e uma cópia do gene normal e uma cópia do gene positivo (mutante) foram detectadas. O genótipo do animal testado é PORTADOR ou CARRIER este resultado também pode ser referido como HETEROZIGOTO ou "+/-". Por ser uma doença autossômica recessiva, o animal não apresentará sintomas de doença ou desenvolverá a doença. Deve-se levar em consideração a criação deste animal, pois ele pode produzir descendentes afetados se acasalado com outro portador. Recomenda-se que qualquer parceiro reprodutor seja testado antes da criação.

RESISTÊNCIA A MÚLTIPLAS DROGAS (MDR1)

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: MDR1 no cromossomo 14

Variante: Deleção 4bp AGAT

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

MÁ ABSORÇÃO DE COBALAMINA - DEFICIÊNCIA DE CUBULINA

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: CUBN (Cubulin) no cromossomo 2

Variante: Deleção de Nucleotídeo c.8392delCp.Gln2798Argfs*3

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

CISTINÚRIA (AUSTRALIAN CATTLE DOG)

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: Solute carrier family 3 member 1 (SLC3A1) no cromossomo 8

Variante: Deleção de Nucleotídeo c.1095-1100del p.366-367Thr deleção inframe

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

GONIODISGENIA E GLAUCOMA (BORDER COLLIE)

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: OLFML3

Variante: c.590G>A

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

DOENÇA DE VON WILLEBRAND TIPO II

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: von Willebrand factor (vWF) no cromossomo 27

Variante: Substituição de Base c.4937A>G p.Asn883Ser

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

MIOTONIA HEREDITÁRIA

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: Chloride voltage-gated channel 1 (CLCN1) no cromossomo 16

Variante: c.2703-2704 inserção Ap.Arg890Gln-frameshi

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

LIPOFUSCINOSSES CEROIDE NEURONAL 5 (BORDER COLLIE)

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: CLN5, intracellular trafficking protein (CLN5) no cromossomo 22

Variante: Substituição de Base c.619C>T p.Glu206STOP

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

LUXAÇÃO PRIMÁRIA DE LENTE

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: ADAM metallopeptidase with thrombospondin type 1 motif 17 (ADAMTS17) no cromossomo 3

Variante: Substituição de Base c.1473+1G>Asplice-donor-site mutation at the 5' end of intron 10

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

SÍNDROME DE RAINE OU HIPOMINERALIZAÇÃO DENTÁRIA

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: FAM20C

Variante: c.899C>T

O DNA deste Pet foi escaneado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

SÍNDROME DE NEUTRÓFILOS PRESOS

Resultado: Negativo (variante não identificada) - Homozigoto (-/-)

Gene: Vacuolar protein sorting 13 homolog B (VPS13B) no cromossomo 13

Variante: Deleção de Nucleotídeo CanFam2.1(g.4411956_4411960delGTTT)

O DNA deste Pet foi escaniado e o genótipo é NORMAL, a presença da doença associada variante (mutação) não foi detectada. Este resultado também pode ser referido como (-/-), "tipo selvagem (WT)" ou ainda "homozigoto negativo". O Pet está livre da doença e não transmitirá a variante causadora da doença. Pode ser acasalado com um Pet não testado e NÃO produzirá nenhuma prole positiva ou afetada.

RESULTADO DO TESTE DE DNA - TRAÇOS

LOCUS E - (CREAM/RED/YELLOW)

Resultado: E/E - PRETO DOMINANTE NÃO PORTADOR DA EXTENSÃO YELLOW/RED/WHITE

Gene: MC1R

Variante: Em (point mutation) > E (wild type) > e (point mutation)

Duas cópias do preto dominante (E). Todas as áreas da cor da pelagem eumalanina. Não produzirão nenhuma prole "e". Os loci Extension são responsáveis pela maioria dos padrões não agouti.

MARROM - BROWN (345DELPRO) DELETION

Resultado: B^d/B^d - NÃO PORTADOR DO BROWN/RED/LIVER ou CHOCOLATE [DELETION]

Gene: TYRP1

Variante: Base Substitution (Point Mutation)

Não carrega o códon de deleção marrom. Consulte as outras variantes do marrom para esclarecer a cor potencial para a prole.

MARROM - BROWN (GLNT331STOP) STOP CODON

Resultado: B^s/b^s - PORTADOR DO BROWN/CHOCOLATE, LIVER ou RED [STOP CODON]

Gene: TYRP1

Variante: Point Mutation

Uma cópia do códon de parada marrom SNP presente - portador. Pode produzir filhotes marrons/chocolate/fígado se acasalados com outro portador. Observe que este pode ser um "heterozigoto composto" e, portanto, ser marrom/chocolate. Consulte os outros 2 SNPs de chocolate para confirmar.

MARROM - BROWN (SER41CYS) INSERTION CODON

Resultado: B^c/B^c - NÃO PORTADOR DO BROWN/RED/LIVER ou CHOCOLATE [INSERTION]

Gene: TYRP1

Variante: Point Mutation

Não carrega o códon de inserção marrom. Consulte as outras variantes do marrom para esclarecer a cor potencial para a prole.

FÍGADO - LIVER [TYRP1] (TIPO LANCASHIRE HEELER)

Resultado: B^e/B^e - NÃO PORTADOR DO BROWN/LIVER [TYRP1]

LOCUS D (DILUTE)

Resultado: D/D - AUSÊNCIA DE CÓPIA DO ALELO MLPH-D (DILUENTE) PIGMENTO NORMAL

Gene: MLPH

Variante: Base Substitution

Cor total ou completa, nenhum gene diluído presente. O alelo D modifica o gene da melanofili-na (MLPH). Este animal não pode produzir descendentes "diluídos". Observação: Existem outras variantes diluídas d2 (Sloughi, Chow Chow e Thai Ridgeback) e rara d3 (Galgo Italiano e Chihuahua), portanto, este teste / resultado pode não identificar diluição nessas raças.

LOCUS K (PRETO DOMINANTE)

Resultado: KB/k^y ou k^{br} - UMA CÓPIA DO PRETO DOMINANTE (KB) E UMA CÓPIA DO RECESSIVO NÃO-PRETO. PODE SER MALHADO/TIGRADO

Gene: CBD103

Variante: Deletion of GGG

Uma cópia em preto e uma cópia de ky. O KB irá cobrir o locus A e tudo que você visualizar é a cor base. O cão expressará os alelos no locus A, mas toda e qualquer feomelanina (vermelho) será tigrado. Este alelo substitui o locus ASIP (A). O fenótipo agouti pode ser alterado por algumas raças e, portanto, ser tigrado. Existem três alelos no Locus K com a seguinte dominância hierarquia KB > Kbr > k. O primeiro KB representa o preto dominante, o segundo alelo Kbr representa tigrado e pode exibir o gene do Locus A. O tigrado na maioria das raças aparece como listras pretas em uma base vermelha. Observação: até o momento nenhum teste genético comercial pode distinguir o tigrado, então os criadores devem confiar em seu pedigree ou padrão da raça para excluir ou incluir o fenótipo tigrado.

LOCUS A (FAWN/SABLE; TRI/TAN POINTS)

Resultado: a^t/a^t - TAN POINTS, BLACK & TAN ou TRICOLOR pode ser malhado [VER LOCUS K]

Gene: ASIP

Variante: Base Substitution, 246 G>T(A82S), G>A (R83H):

C>T (p.R96C)

Homozigoto para alelo preto e castanho/tricolor (sem cores ocultas). Tri fatorado/branco fatorado em cães que possuem pontos brancos. Sem fatoração Bi (preto, branco e castanho). Os animais são principalmente pretos e têm áreas de feomelanina (bronzeado) que tendem a ser vistas nas áreas das pernas e do estômago, do lado da cabeça e manchas acima dos olhos. Observe que a cor e a distribuição do "bronzeado" da feomelanina dependerá da raça e de outros genes de cor. Observe que quaisquer genes da série "A" só serão expressos se o locus K for kk, kkbr ou kbrkbr.

SHEDDING (MC5R)

Resultado: shd/shd [HIGH SHEDDING] - DUAS CÓPIAS DA VARIANTE shd (MC5R) DETECTADO. REFERE-SE AO R151W (IC) PARA O NÍVEL DO SHEDDING

Gene: MC5R

O cão poderá apresentar um baixo nível de eliminação. Observação: este nível também depende do alelo de fornecimento. Se o cão não tiver o fenótipo IC (R151W), o desprendimento será baixo.

LOCUS E (VARIANTE CREME DO AUSTRALIAN CATTLE DOG) E2

Resultado: E²/E² PRETO DOMINANTE - NÃO PORTADOR DO TIPO CREME DO AUSTRALIAN CATTLE DOG

Gene: MC1R

Variante: c.430G>C

Esta variante e2 está associada com a cor creme pálida vista no cão australiano e outras variedades ou raças de ancestralidade comum.

COMPOSIÇÃO DA PELAGEM - GENE CFA28 (PELAGEM SIMPLES OU DUPLA)

Resultado: udc/udc - DUAS CÓPIAS PARA O FENÓTIPO DE PELAGEM DUPLA DETECTADO (SUBPELO DENSO)

Gene: CFA28

O cão terá uma pelagem externa mais curta e será densa e de textura lanosa.

PELO ENCARACOLADO (KRT71 R151W)

**Resultado: NEGATIVO PARA A VARIANTE KRT71 R151W (C1)
NÃO TERÁ FENÓTIPO DE PELAGEM ONDULADA**

Gene: KRT71 (R151W)

Variante: chr27:2539211-2539211: c.451C>T

Observe que existem outros genes e variantes adicionais da pelagem ondulada que afetarão o fenótipo da pelagem ondulada.

PELO ENCARACOLADO (KRT71 - P.SER422ARGFSTER)

**Resultado: NEGATIVO PARA A VARIANTE KRT71 (p.Ser422ArgfsTer)
NÃO TERÁ FENÓTIPO DE PELAGEM ONDULADA (C2)**

Gene: KRT71

Variante: c.1266_1273delCCTGAAGCinsACA p. Ser422ArgfsTer

GENE DO PELO LONGO (CANINE C95F)

Resultado: POSITIVO - MOSTRA O FENÓTIPO

Gene: FGF5

Variante: p.Cys95Phe c284G>T (Point Mutation)

O fenótipo/característica testado está presente. Observe que isso pode variar de raça para raça e dentro da raça.

LOCUS I - INTENSIDADE DA PELAGEM

**Resultado: I/i - UMA CÓPIA DO ALELO MFSD12.
PROVAVELMENTE NÃO IRÁ MOSTRA FENÓTIPO DE DILUIÇÃO EXTREMA**

Gene: c.151C>T (p.Arq51Cys)

Esta variante está associada à diluição da feomelanina, que está envolvida na cor creme/branco/damasco em cães. O grau de intensidade (diluição) irá variar dentro e entre as raças

LOCUS B [TYRP1] (TIPO SHEPHERD AUSTRALIANO)

**Resultado: B^a/B^a - AUSÊNCIA DE CÓPIA DA VARIANTE MARRO/VERMELHO
c.555T>G [TIPO SHEPHERD AUSTRALIANO]**

Gene: TYRP1

Variante: c.555T>G

Este cão não carrega nenhuma cópia da mutação (ba) e tem um genótipo de locus B de Ba/Ba. Este cão vai passar uma cópia de B para 100% de sua prole e não pode produzir cães ba/ba.

TAMANHO CORPORAL - IGSF1 "BULKY GENE"

**Resultado: AUSÊNCIA DE CÓPIA DO GENE IGF1R ASSOCIADO A REDUÇÃO DO
TAMANHO CORPORAL**

Gene: IGSF1

Variante: chrX.g.102369488-102369489insAAC, p.Asp376_Glu377insAsn,
cromossomo X

O gene IGF1 é considerado ancestral encontrado nas raças de porte grande.

PIED (BOTH SINE AND REPEAT VARIANTS)

Resultado: S/S - PELAGEM NÃO PIEBALD, WHITE SPOTTING, FLASH OU PARTI

Gene: MITF-M no cromossomo 20

Variante: g.chr20:21836563insSINELength polymorphism(repeat CAGA)
chr20:21839332-21839366 MITF- M

Nenhuma cópia do alelo Fator de Transcrição Indutor de Melanócitos (MITF) "sp" detectado. O cão não passará a variante MITF para a prole. Observe que podem existir outras causas ainda não identificadas de exclusão de cores. Um cão S/S cruzado com cães malhados sp/sp resultará em toda a prole S/sp. Se nenhum outro gene causador de branco estiver em jogo (como irlandês, cabeça branca, pseudo irlandês, etc.), a maioria acabará com tórax/dedos dos pés brancos ou menos brancos. Os cães S/S também podem apresentar pequenas marcas brancas. Normalmente é um resíduo branco congênito (e não genético) e também pode ser a causa de pequenas marcas brancas em alguns cães S/sp. Alguns S/sp aparecem fenotipicamente de cor sólida. Observe que, em algumas raças, outros fatores, como Merle, podem produzir padrões semelhantes aos observados em um homocigoto (duas cópias) malhado.

MERLE

Resultado: m/m [171/171bp] - PELAGEM NÃO MERLE SÓLIDO (SEM ALTERAÇÃO NA COLORAÇÃO DO PELAME)

Gene: SILV

Variante: 250 base pair SINE insertion, oligo(dA)-rich tails with length polymorphism. Detects and reports all the 7 alleles on the M Locus (Mh, M, Ma+, Ma, Mc+, Mc and m)

Sem padrão merle. Nenhuma alteração na cor dos olhos, cor da pelagem ou tonalidade do pigmento. **CARACTERÍSTICAS FENOTÍPICAS PRINCIPAIS ALLELE** Sem padrão Merle ± pelo sólido. **OBSERVAÇÃO 1:** pode haver uma proporção de cães onde o alelo M (Merle) não amplifica, por exemplo. mosaico. O alelo M pode estar circulando em níveis baixos e não consegue amplificar. Também pode haver casos do alelo M circulando em outra célula, por exemplo. sêmen ou folículos capilares. **OBSERVAÇÃO 2:** os resultados deste teste são em média 2 a 3 pares de bases mais baixos do que o relatado anteriormente (Langevin et al; 2018). Isso pode resultar em algumas diferenças de classificação Merle entre laboratórios.

PERFIL DE DNA

Foram avaliados mais de 200 polimorfismos de nucleotídeo único (SNPs). Esses marcadores de DNA são usados para criar um perfil de DNA único ou "impressão digital" para o cão, incluindo a confirmação do sexo do animal. O teste Canine SNP da Box4Dog inclui 288 dos principais marcadores sugeridos à International Society of Animal Genetics (ISAG) para adoção internacional.

Um animal individual terá duas cópias de cada DNA, ou alelos, em cada local do marcador; um da mãe e outro do pai. Comparar os perfis da prole com a da mãe, bem como dos pais em potencial, permite a confirmação de que esses indivíduos "se qualificam" ou são "excluídos" como possíveis pais.

P37_3	G G	P38_1	C C	P38_2	G G	P27_1	C G	P17_3	A G	P27_2	A A	P4_3	A A	P18_2	C C
P18_3	A C	P5_1	G G	P11_1	A G	P19_1	T T	P19_2	G G	P5_2	G G	P19_3	G G	P2_1	G G
P2_3	A C	P27_3	A A	P20_1	A A	P20_3	A A	P5_3	G G	P11_2	C C	P6_2	G G	P6_3	C C
P21_1	G G	P21_3	A G	P22_2	A A	P28_1	G G	P7_1	C C	P7_2	A A	P28_2	C G	P7_3	A G
P29_2	G G	P8_1	A G	P22_3	C G	P8_2	G G	P8_3	A A	P23_1	C C	P9_3	T T	P23_2	C C
P23_3	A G	P24_1	A G	P3_1	G G	P1_2	A G	P3_2	A A	P3_3	G G	P11_3	C C	P12_1	G G
P24_2	A A	P12_3	G G	P30_3	A A	P13_1	C C	P24_3	A A	P31_1	A A	P28_3	A T	P31_3	G G
P25_1	G G	P32_2	C C	P13_2	A A	P13_3	A A	P25_2	A G	P25_3	C C	P32_3	A A	P33_1	G G
P14_1	T T	P10_1	G G	P26_1	G G	P33_3	A G	P26_2	A A	P14_2	C G	P26_3	G G	P14_3	C C
P15_1	G G	P34_1	A A	P34_2	G G	P34_3	A A	P10_3	C C	P15_2	A G	P15_3	A A	P16_3	G G
P35_1	G G	P35_2	G G	P36_1	C C	P17_1	G G	P36_2	C G	P37_2	G G	P17_2	A A	P29_1	G G

PERFIL DE DNA

BICF2G630103624	A A	BICF2G630111735	A G	BICF2G630122583	A A	BICF2G630133028	A G
BICF2G630133994	A G	BICF2G630149030	A G	BICF2G630200354	A G	BICF2G630209886	A A
BICF2G630220326	A A	BICF2G630221287	A G	BICF2G630264994	A A	BICF2G630276039	A G
BICF2G630276136	A G	BICF2G630306265	A G	BICF2G630326688	G G	BICF2G630328172	A A
BICF2G630328323	A A	BICF2P251850	C C	BICF2P277987	A A	BICF2P345488	A A
BICF2P401677	A G	BICF2P414351	A G	BICF2P42825	G G	BICF2P452541	A G
BICF2P457665	A G	BICF2P464536	G G	BICF2P465276	A G	BICF2P46604	A G
BICF2P46672	A G	BICF2P496466	G G	BICF2P496837	G G	BICF2P567552	A G
BICF2P590440	A G	BICF2P600196	A A	BICF2P615597	A A	BICF2P635478	A A
BICF2P651575	A A	BICF2P651577	G G	BICF2P70891	G G	BICF2P725743	C C
BICF2P728698	A G	BICF2P789367	A G	BICF2P805553	A G	BICF2P840653	A G
BICF2P885380	G G	BICF2P923421	G G	BICF2P950116	G G	BICF2P963969	A A
BICF2P998036	C C	BICF2S22912385	A A	BICF2S22926284	A A	BICF2S22953709	A C
BICF2S23018785	A G	BICF2G630367177	A A	BICF2G630409193	A A	BICF2G630453264	G G
BICF2G630474528	A A	BICF2G630499189	A A	BICF2G630539759	A A	BICF2G630552597	A G
BICF2G630653298	A G	BICF2G630666362	A G	BICF2G630691635	G G	BICF2G630704611	A G
BICF2G630708384	G G	BICF2G630762459	A A	BICF2G63078341	G G	BICF2G63088115	A A
BICF2P1010945	A A	BICF2P105070	G G	BICF2P1138733	G G	BICF2P1159837	G G
BICF2P1181787	G G	BICF2P1192522	A A	BICF2P1226745	G G	BICF2P1286728	A G
BICF2P1362405	A A	BICF2P1369088	A G	BICF2P1391407	A A	BICF2P164304	G G
BICF2P184963	A A	BICF2S23111132	A A	BICF2S23138418	A G	BICF2S23141330	A T
BICF2S23214514	C C	BICF2S23326150	A G	BICF2S23329382	A C	BICF2S23357186	C G
BICF2S2338108	A G	BICF2S23434277	G G	BICF2S23529290	A G	BICF2S23535154	A G
BICF2S23614068	A A	BICF2S2399705	A A	G1425f16S28	A G	TIGRP2P255960_rs9030578	A G
TIGRP2P283310_rs8881748	A G	TIGRP2P328303_rs8531882	A C	TIGRP2P354499_rs9162547	A G	TIGRP2P356245_rs8830240	C C
TIGRP2P362535_rs9130694	A G	TIGRP2P389035_rs9038546	A A				

PERFIL DE DNA

BICF2G630102146	A G	BICF2G630149581	A G	BICF2G630159183	A G	BICF2G630170631	A A
BICF2G630187649	A T	BICF2G630187658	A G	BICF2G630204463	A A	BICF2G630209373	A G
BICF2G630209508	A G	BICF2G630255439	G G	BICF2G630271966	G G	BICF2G630274628	A G
BICF2G630307199	A A	BICF2G630340940	G G	BICF2P250787	A C	BICF2P25730	A T
BICF2P283440	A A	BICF2P285489	A G	BICF2P345056	G G	BICF2P347679	A A
BICF2P378969	A A	BICF2P382742	G G	BICF2P415783	A A	BICF2P422152	A G
BICF2P508740	G G	BICF2P516667	A G	BICF2P553317	A G	BICF2P554817	A G
BICF2P561057	A C	BICF2P585943	A G	BICF2P624936	G G	BICF2P635172	A G
BICF2P643134	A G	BICF2P65087	A A	BICF2P651576	G G	BICF2P717226	A C
BICF2P751654	A A	BICF2P774003	C C	BICF2P798404	A A	BICF2P642510	G G
BICF2P856893	G G	BICF2P878175	G G	BICF2P935470	G G	BICF2P990814	A A
BICF2S22910736	G G	BICF2S22913753	A G	BICF2S22928800	A A	BICF2S22943825	A G
BICF2S23028732	A A	BICF2S23031254	A A	BICF2G630340944	G G	BICF2G630365778	C C
BICF2G630382763	G G	BICF2G630437783	C C	BICF2G630449851	A G	BICF2G630467607	A C
BICF2G630488267	G G	BICF2G630504410	A A	BICF2G630552598	A G	BICF2G630558437	A G
BICF2G630594648	G G	BICF2G630634836	C C	BICF2G630641678	A G	BICF2G630689403	G G
BICF2G630798972	G G	BICF2G630814422	A C	BICF2G63090019	A A	BICF2P1019402	G G
BICF2P103615	A G	BICF2P1060087	A G	BICF2P1104630	A G	BICF2P1141966	G G
BICF2P1173491	G G	BICF2P1183665	A A	BICF2P1193353	A G	BICF2P1216677	G G
BICF2P1226838	A A	BICF2P1232055	G G	BICF2P1271174	A G	BICF2P129347	G G
BICF2P129670	G G	BICF2P1308802	C C	BICF2P1310805	C C	BICF2P1344095	A A
BICF2P1346673	A G	BICF2P1357746	G G	BICF2P1454500	G G	BICF2P155421	A A
BICF2P157421	G G	BICF2P182473	A G	BICF2P224656	A A	BICF2P237994	A G
BICF2P246592	A C	BICF2S23049416	A A	BICF2S23057560	A G	BICF2S23124313	A G
BICF2S23126079	A A	BICF2S23246455	G G	BICF2S23250041	C C	BICF2S23333411	G G
BICF2S23356653	A G	BICF2S23429022	A A	BICF2S23449478	A A	BICF2S23519644	A A
BICF2S2351979	G G	BICF2S2359809	A G	BICF2S236196	A G	BICF2S23626625	C C
BICF2S23648905	A G	BICF2S23649947	G G	BICF2S23713161	A G	BICF2S23737033	A A
BICF2S24511913	G G	TIGRP2P106843_rs8858816	A A	TIGRP2P116826_rs8741680	A A	TIGRP2P164720_rs8839809	A G
TIGRP2P177606_rs8886563	C C	TIGRP2P215708_rs8686029	A A	TIGRP2P316532_rs8597522	A A	TIGRP2P372104_rs9153277	G G
TIGRP2P402042_rs9121006	G G	TIGRP2P406551_rs9235397	A A	TIGRP2P407751_rs8803124	C C	BICF2G630646431	A A

RESULTADOS REVISADOS E CONFIRMADOS POR

Dr. Lucas Rodrigues, DVM, MS, PhD - CRMV-SP 15446
(assinado eletronicamente)

Dr. Noam Pik BVSc, BMVS, MBA, MACVS
(assinado eletronicamente)

George Sofronidis Bsc (Hons)
(assinado eletronicamente)

Box4Dog - Genética Canina - Orivet International - USA
Av. Granadeiro Guimarães, 155
Centro - Taubaté - SP
contato@box4dog.com.br
(12) 99211-1805

Acreditado por:



Membro de:



Harmonization of
Genetic Testing
for Dogs

GLOSSÁRIO DE TERMOS GENÉTICOS

NEGATIVO NEGATIVE / CLEAR [NO VARIANT DETECTED]

Nenhuma variante (ou mutação) foi detectada. O animal está livre da doença e não transmitirá nenhuma doença causadora mutação.

PORTADOR CARRIER [ONE COPY OF THE VARIANT DETECTED]

Também conhecido como HETEROZIGOTO. Uma cópia do gene normal e uma cópia do gene afetado (mutante) foi detectado. O animal não apresentará sintomas de doença ou desenvolverá a doença se a doença tiver herança autossômica recessiva. Deve-se levar em consideração se a reprodução este animal - se cruzar com outro portador ou afetado ou desconhecido, pode produzir uma prole afetada.

POSITIVO POSITIVE / AT RISK [TWO COPIES OF THE VARIANT DETECTED]

Duas cópias da variante do gene da doença (mutação) foram detectadas, também conhecidas como HOMOZIGOTO para a variante. O animal pode apresentar sintomas (afetados) associados à doença. O tratamento adequado deve ser buscado por meio de consulta ao Médico Veterinário.

POSITIVO HETEROZIGOTO POSITIVE HETEROZYGOUS [ONE COPY OF THE DOMINANT VARIANT DETECTED]

Também conhecido como POSITIVO PARA UMA CÓPIA ou POSITIVO HETEROZIGOTO. Este resultado está associado a uma doença somente para as patologias que tenham herança dominante (e não autossômica recessiva). Uma cópia do gene normal (tipo selvagem/WT) e do gene afetado (mutante) está presente. Recomenda-se consultar o Médico Veterinário sobre o tratamento da doença. Este resultado ainda pode ser usado para produzir uma prole sem doença.

INDETERMINADO

A amostra enviada não deu um resultado conclusivo. Isto pode ocorrer devido a falha de coleta ou contaminação da amostra. Será necessário uma nova amostra e isto não acarretará em novos custos.

PERFIL DE DNA

Também conhecido como impressão digital de DNA, ou seja, cada animal tem um único perfil. Nenhum animal compartilha o mesmo perfil de DNA. O perfil de DNA de um indivíduo é herdado de ambos os pais e pode ser usado para verificar a ascendência (linhagem). Este perfil não contém doenças ou informações sobre traços e é simplesmente uma assinatura de DNA única para aquele animal.

TRAÇOS OU FENÓTIPO

Uma característica com a qual um animal nasce (uma característica determinada geneticamente). Traços são um fenótipo visual que varia de da cor ao comprimento do cabelo e também inclui certas características, como o comprimento da cauda. Se um indivíduo é AFETADO por uma característica, então irá mostrar que a característica, por exemplo, AFETADA para o Locus B (Marrom) ou bb será marrom / chocolate.

INFORMAÇÕES SOBRE OS TESTES GENÉTICOS BOX4DOG

O objetivo do teste genético da Box4Dog é fornecer aos tutores e criadores informações relevantes para prevenção de doenças e promover práticas para melhorias na saúde animal. No entanto, a herança genética não é um processo simples e apresenta alguns fatores complicantes. Abaixo estão algumas informações para ajudar a esclarecer esses fatores.

1) Algumas doenças podem apresentar sinais do que os geneticistas chamam de “heterogeneidade genética”. Este é um termo para descrever um condição aparentemente única que pode ser causada por mais de uma mutação e/ou gene.

2) É possível que exista mais de uma doença que se apresenta de forma semelhante e segregada em uma única raça. Essas condições - embora fenotipicamente semelhantes - podem ser causadas por mutações e/ou genes separados.

3) É possível que a doença que afeta sua raça seja o que os geneticistas chamam de “doença oligogênica”. Este é um termo para descrevem a existência de genes adicionais que podem modificar a ação de um gene dominante associado a uma doença. Esses genes modificadores podem, por exemplo, dar origem a uma idade variável de início para uma condição particular, ou afetar a penetrância de um mutação particular, de modo que alguns animais podem nunca desenvolver a doença.

A gama de doenças hereditárias continua a aumentar e vemos algumas que são relativamente benignas e outras que podem causar doença grave e/ou fatal. O diagnóstico de qualquer doença deve ser baseado na história de pedigree, sinais clínicos, história (incidência) de a doença e o teste genético específico para a doença. A penetração de uma doença sempre variará não só de raça para raça mas dentro de uma raça, e irá variar com diferentes doenças. Fatores que influenciam a penetrância são genética, nutrição e meio ambiente. Embora o teste genético deva ser uma prioridade para os criadores, recomendamos fortemente que temperamento e o fenótipo também deve ser considerado durante a reprodução.

A Box4Dog parceira da Orivet Genetic Pet Care tem como objetivo atualizar frequentemente os criadores com as pesquisas mais recentes da literatura científica. Se criadores tiver alguma dúvida sobre uma determinada condição, entre em contato conosco por email contato@box4dog.com.br e ficaremos felizes em responder a quaisquer perguntas.



box4dog
TESTE DNA

**SIGA NOSSAS
REDES**

@BOX4DOGDNA

box4dog.COM.BR